

XANTARES BIOCIENTÍFICOS

Dende o grupo de traballo de formación e divulgación de **BioReDes** queremos anunciar a novena charla encadrada nos *Xantares Biocientíficos*, que terá lugar o **venres 7 de febreiro ás 13:00 horas no Edificio CACTUS do Campus de Lugo. A intervención levará por título “**Historia e xenés: o feitizo xenético dos Austrias**”, e será impartida por Gonzalo Álvarez Jurado, Catedrático de Xenética da USC, Ad Honorem.**

Esperámoste! Ven a tomar un petisco con BioReDes!



Breve resumo da presentación

“Historia e xenes: o feitizo xenético dos Austrias”

Gonzalo Álvarez Jurado

Universidade de Santiago de Compostela

La Dinastía Habsburgo fue una de las dinastías reales más importantes de Europa. La rama española de la Dinastía Habsburgo (la Casa de Austria española) gobernó los territorios del Imperio Español desde 1516 hasta 1700, cuando el último rey de la dinastía, Carlos II El Hechizado, falleció sin dejar descendencia. Destacados historiadores han formulado la hipótesis de que los Habsburgo españoles se extinguieron como consecuencia del elevado número de matrimonios consanguíneos (tío-sobrina, primos hermanos, etc.) que se produjo en la dinastía. La abundante información histórica sobre los Austrias, en términos de registros genealógicos, mortalidad infantil, etc., permite un análisis de la consanguinidad de la dinastía desde una perspectiva genética. El cálculo de los coeficientes de consanguinidad de los reyes Habsburgo llevado a cabo a partir de amplias genealogías que incluyen más de 3000 individuos de 16 generaciones pone de manifiesto los altos niveles de consanguinidad alcanzados por algunos reyes. Así, Carlos II tuvo un coeficiente de consanguinidad de 25,4 %, mayor que el de la descendencia de una unión incestuosa padre-hija o hermano-hermana. Además, se detecta una fuerte depresión consanguínea en supervivencia infantil en los hijos de los matrimonios reales, de forma que aquellos niños con un mayor nivel de consanguinidad experimentaron un incremento notable de la mortalidad en relación a los infantes menos consanguíneos. Por otro lado, la compleja sintomatología clínica de Carlos II, que sufrió numerosas enfermedades a lo largo de toda su vida, puede explicarse como el resultado del incremento de la homocigosis producida por la consanguinidad para dos genes recesivos responsables de la deficiencia de hormonas pituitarias y la acidosis renal.

Bibliografía recomendada:

- Álvarez, G., F. C. Ceballos y C. Quinteiro. 2009. The role of inbreeding in the extinction of a European royal dynasty. PLOS ONE 4(4): e5174. DOI: 10.1371/journal.pone.0005174. ISSN: 1932-6203.
- Álvarez, G. y F. C. Ceballos. 2015. Royal inbreeding and the extinction of lineages of the Habsburg dynasty. Human Heredity 80:62-68. ISSN: 0001-5652 y 1423-0062.
- Álvarez, G. y F. C. Ceballos. 2016. El hechizo genético de los Austrias. Nova Acta Científica Compostelana 23:1-8. ISSN: 2340-0041.
- Vilas, R., F. C. Ceballos, L. Al-Soufi, R. González-García, C. Moreno, M. Moreno, L. Villanueva, L. Ruiz, J. Mateos, D. González, J. Ruiz, A. Cinza, F. Monje y G. Álvarez. 2019. Is the “Habsburg jaw” related to inbreeding? Annals of Human Biology DOI: 10.1080/03014460.2019.1687752.